

Curio の空間マッピング テクノロジーをご存じですか？

2024年末キャンペーン

はじめよう！

1サンプル16万円から！

DNAバーコードビーズを用いた

高密度・高解像度 空間シングルセル全トランスクリプトーム解析



現在の検出遺伝子数の問題や、細胞のセグメンテーションの問題を解決！

- Broad Instituteで開発されたSlide-seq v2 (CurioSeeker) がベース
- シングルセルレベルの解像度の空間解析に
- 全トランスクリプトーム解析に
- あらゆる真核生物に
- 特別な装置なし！
- DNAバーコードビーズでmRNAをキャプチャー
- ビーズを回収後、シーケンス

キャンペーン
期間
2024/12/31(火)
受注分まで

キャンペーン対象製品

製品名	製品番号	希望小売価格	新規のお客様向け 初回限定 キャンペーン価格	既存のお客様向け リピートキャンペーン価格
3x3 Seeker Kit Bundle V1.1 (8 tiles : 8サンプル対応)	SK004	¥2,500,000	¥1,250,000 (16万/サンプル)	¥1,650,000 (21万/サンプル)
10x10 Seeker Kit Bundle (4 tiles : 4サンプル対応)	SK003	¥3,500,000	¥1,750,000 (44万/サンプル)	¥2,100,000 (53万/サンプル)

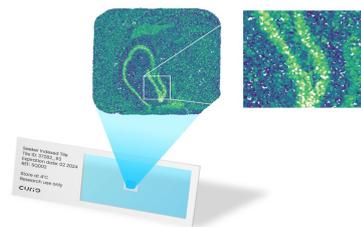
*シーケンス代は含みません。税別価格となります。

Curio Bioscienceとは？

DNAマイクロアレイの開発をしたAffymetrixの創始者、Cellular Researchの技術開発者や、数多くの発明とシングルセルゲノミクス研究製品の商業化に貢献したチームメンバーで構成され、最先端の空間オミクスソリューション、新世代の高精度ツールを開発しています。



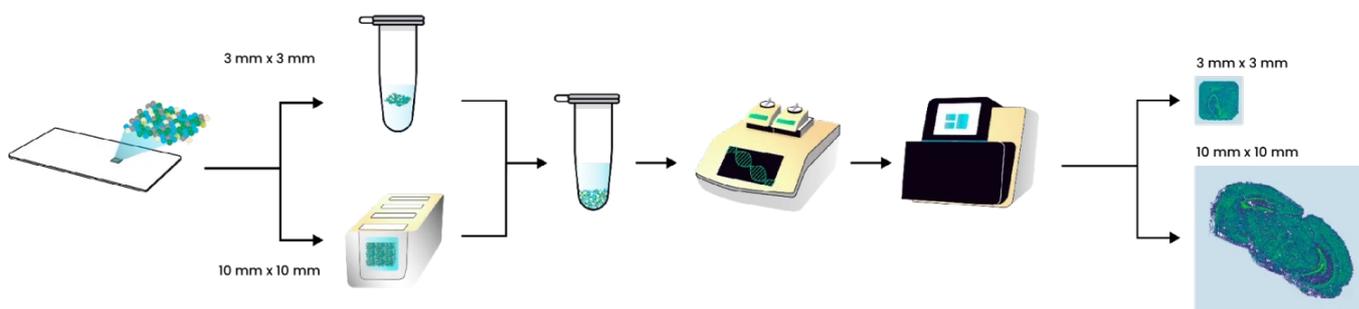
Curio Bioscienceについて



シングルセルレベルで発見をスピードアップ 全トランスクリプトーム発現マッピング

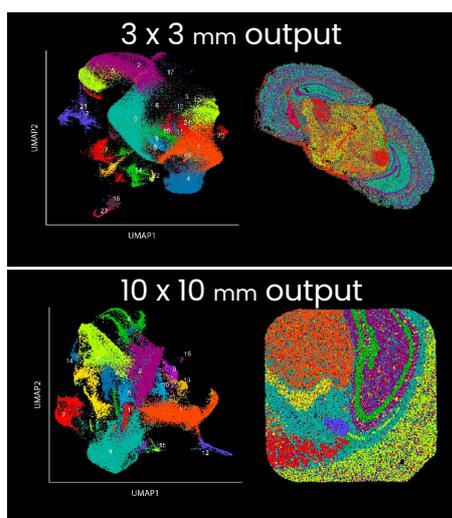
Curio Seeker workflow

特別な装置を使わずにライブラリー調整まで、1日で完了するシンプルなワークフロー



- 組織切片を Curio Seeker タイルにセット
- 空間認識のためのインデックス付ビーズ上でハイブリダイズ
- mRNA をキャプチャー
- インデックス付ビーズをタイルから分離
- 組織を分解
- 第 2 鎖合成と cDNA 増幅
- ビーズを回収、cDNA精製
- NGS ライブラリー調整
- シーケンス FASTQ ファイル取得
- Curio Seekerパイプライン
- 組織切片の連続的全トランスクリプトーム空間マップ作成

組織サンプルと研究のニーズに合わせたサイズ選択が可能



Example Curio Seeker results from mouse brain sections.

Curio Seeker 仕様

アプリケーション	空間scRNA-seq (全トランスクリプトーム)
解像度	10 μ m
専用装置	不要
タイルサイズ種類	3 x 3 mm, 10 x 10 mm
サンプルタイプ	新鮮凍結切片
検出	シーケンサー
解析ソフトウェア	専用パイプラインツールあり
処理時間 (内手作業)	8 - 8.5 hr (2.5-3 hr)
推奨シーケンス リード数	3 x 3 mm : ~ 400 M 10 x 10 mm : ~ 2 B