bitBiome

真核生物RNA-seqキャンペーン

国内自社ラボ完結、解析付きの限界突破キャンペーン

キャンペーン期間：2027年2月5日(金)サンプル到着分まで

真核生物RNA-seq

サンプルQC／シーケンス(150PE)／データ解析(下記参照)

納品物：fastq／各種カウント・配列データ／解析レポート

標準納期：検体受領より6週間※1

標準データ量：6Gb(40M reads)※2

9検体以上の場合

¥ 22,000

/検体(税抜)

国内の自社ラボ完結
早稲田大のラボで一気通貫対応

データ解析付き
発現解析から群間比較まで

結果説明にもご対応
解析担当者が技術フォロー

サンプル種	サンプル要件
Total RNAサンプル	濃度 ≧50ng/μL,≧20μL(推奨RIN値 ≧7)

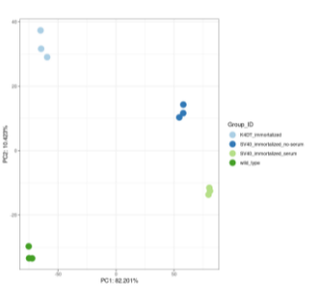
解析前後の技術サポートからカスタマイズ作業まで柔軟対応

- ✓ サンプル準備の相談
- ✓ 結果説明・QAサポート
- ✓ RNA抽出対応
- ✓ 過去のシーケンスデータとの統合解析
- ✓ rRNA除去対応(哺乳類・植物…etc)

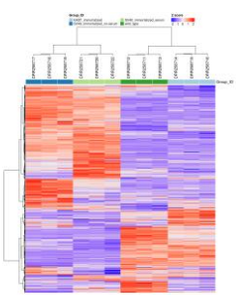
充実した解析パッケージ※3

RNA-seqの基本となる各種解析パッケージが付いてます。研究目的に応じた群間比較など、柔軟な解析に対応します

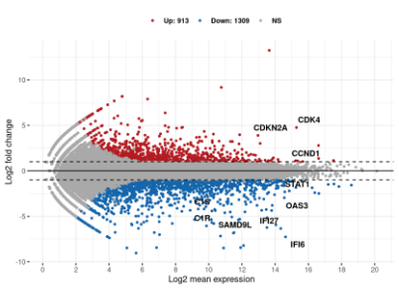
- ✓ マッピング・カウント
- ✓ 階層的クラスタリング
- ✓ 変動遺伝子解析 (MA/Volcano plot)
- ✓ 正規化（FPKM/TPM）
- ✓ 相関分析 / 主成分分析
- ✓ GO解析



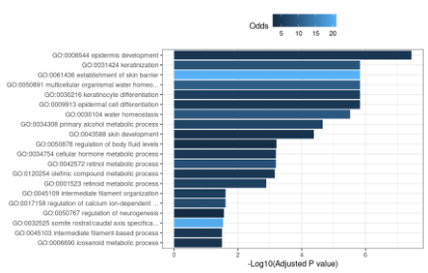
主成分分析(PCA)



クラスタリング



DEG解析(MA plot)



GO解析(エンリッチメント解析)

※1：QCで問題ない場合の納期です。サンプル再提出の場合はご相談になります。

※2：データ量は目安です。データ保証プランをご希望の方はご相談ください。

※3：モデル生物以外の場合はご相談ください。
群間比較は1群あたり3検体以上のデータが必要です

解析レポート例（RNA-seq）

bitBiome

微生物RNA-seqキャンペーン

バクテリアから酵母、マイクロバイオームまで多様な生物種に対応

キャンペーン期間：2027年2月5日(金)サンプル到着分まで

メニュー	データ量／リード数(目安)	キャンペーン価格
原核生物RNA-seq (＋rRNA除去, データ解析)	1.5Gb／40M read	**¥34,000**/検体(税抜)
酵母RNA-seq (＋*S. cerevisiae*用 rRNA除去, データ解析)	3.0Gb／10M read	**¥38,000**/検体(税抜)
メタトランスクリプトーム (＋rRNA除去, データ解析)	6.0Gb／40M read	**¥41,000**/検体(税抜)
＋ RNA抽出	—	**¥15,000**/検体(税抜)

1検体から割引適応、多検体の場合の数量割引も可能です

国内の自社ラボ完結
早稲田大のラボで一気通貫

rRNA除去付き
各種専用のキットで対応

核酸抽出もご対応
菌株・環境サンプルから対応

作業内容（標準納期：6週間※1）

1. RNA QC、rRNA除去
2. ライブラリ作製
3. シーケンス(150PE)
4. データ解析※2
   - ✓ マッピング・カウント
   - ✓ 正規化（FPKM/TPM）
   - ✓ 階層的クラスタリング
   - ✓ 相関分析 / 主成分分析
   - ✓ 変動遺伝子解析 (MA/Volcano plot)
   - ✓ GO解析(※*S. cerevisiae*のみ)

※1：QCで問題ない場合の納期です。サンプル再提出・追加シーケンス発生時はご相談になります。
※2：解析にあたり、必ずリファレンス情報(アクセッション番号、またはfna・gffファイル）をご提供ください。
群間比較は1群あたり3検体以上のデータが必要です。

サンプル種	サンプル要件※3
Total RNAサンプル	濃度 ≧50ng/μL,≧20μL(推奨RIN値 ≧7)
微生物株サンプル※4	細胞数：≧1.0 ×10^9 cells、湿重量20mg以上

※3 ：サンプル量・品質が要件量に未達の場合もご相談可能です。
※4：品質低下を避けるため、採取後はできる限りお早めのRNA shield等の保存液で処理をお願いします。

bitBiome
E-mail: service@bitbiome.co.jp
〒162-0041 東京都新宿区早稲田鶴巻町513
早稲田大学121号館 415号室

お問い合わせ先

販売代理店

Ver1.0 2026年11月2日作成